

Verktøy DNA- slektsforskning

Slektskaps- kalkulator



Verktøy

- Slektskapskalkulator
- Leeds metode (manuell gruppering av matcher)
- Synliggjøre endogami/anesammenfall i ditt slektstre
- Are you Parents Related (GedMatch)
- Finne ukjent forelder/besteforelder

3 ulike eksempler

- MyHeritage "cM Explainer"
- DNA-Painter "Shared cM Project Tool"
- DNA-sci: "SegcM"



cM Explainer - MyHeritage

Alder på den som tester
og på matchen utgjør en
viktig faktor

cM Explainer™ ⓘ

Legg inn den totale mengden delt DNA med et DNA-treff for å vise forholdsprediksjoner.
For forbedrede prediksjoner, skriv inn alderen også.

Delt DNA (cM) 870	Din alder 64 Valgfritt	Treffpersonens alder 83 Valgfritt
----------------------	------------------------------	---

Send inn

Test flere
familiemedlemmer

[Få forslag](#)



Mest sannsynlige slektskapsforhold: **Søskenbarn**

Most Recent Common Ancestor (MRCA): Du og dette DNA-treffet deler mest sannsynlig et par **Besteforeldre**

Mulige slektskapsforhold

Relasjon	Sannsynlighet		<u>Most Recent Common Ancestor(s)</u>
Søskenbarn	56.7%		Besteforeldre
Halvонkel/tante ?	39.3%		Besteforelder
Forelders søskenbarn	3.0%		Oldeforeldre
Halvsøskenbarn ?	1.0%		Besteforelder
Vis færre mulige slektskapsforhold ^			

SegcM

<https://dna-sci.com/tools/segcm/>

- Regnes som en av de mest pålitelige slektskapsverktøyene dersom du vet antallsegmenter
- De har også en kalkulator for å sammenlikne søsken med en match
- Også i bruk på Gedmatch
- Har flere verktøy og en blogg

870	30
cMs	# of Segs.

Submit

870 cMs and 30 segments

Relationship Type	Probability	Group
1st Cousin		45.6%
Pat. Mat. or Mat. Pat. (x2)	14.9%	
Paternal Paternal	10.7%	
Maternal Maternal	5.1%	
G- Aunt/Uncle/Niece/Nephew		25.2%
Maternal Maternal	10.7%	
Pat. Mat. or Mat. Pat. (x2)	5.7%	
Paternal Paternal	3.1%	
Half- Aunt/Uncle/Niece/Nephew		23.8%
Maternal Maternal	14.0%	
Pat. Mat. or Mat. Pat. (x2)	4.6%	
Paternal Paternal	0.6%	
G-Grandparent/G-Grandchild		5.0%
Maternal Maternal	3.0%	
Pat. Mat. or Mat. Pat. (x2)	0.9%	
Paternal Paternal	0.2%	
1st Cousin Once Removed		0.2%
Half-1C Group		0.1%
Half-1C, Half-G or 2G Aunt/Uncle/Niece/Nephew	0.1%	

cMs = centiMorgans, segs. = segments, 2C = 2nd cousin, 2C1R = 2nd cousin once removed.

Denne er basert på en reell database med dokumenterte slektskap.

ars 2020

Ine T. Bettinger
[www.thegeneticgenealogist.com](#)
 om dette prosjektet
 4.0 Navngivelse lisens
 Interaktiv versjon av Jonny Perle hos DNA Painter
 Klikk her for å bidra med data til Prosjektet delt cM
 Oppdatert 26 mars 2020

Oppgi total cM verdi for ditt treff her:

nullstill

Eller tast %

Så vil alle passende slektskap stå frem nedenfor

[Les mer om slektskap](#)

Hvordan lese grafen

Slektskap
 Sritt
 Område
 (lav til høy;
 99nde prosentil)



Resultat

Tipp Tippoldeforeldre

4x grand tante / -
onkel

Tippoldeforeldre

3x grand tante / -
onkel

Halv-oldetante/- onkel 208 103 – 284	Oldeforeldre 887 485 – 1486						Oldetante/- onkel 420 186 – 713	Søskenbarn ±3 gen. 117 25 – 238	Tremening ±3 gen. 51 0 – 154	Andre slektskap	
Halv-søskenbarn ±2 gen. 125 16 – 269	Halv-grandtante/ -onkel 431 184 – 668	Besteforeldre 1754 984 – 2462				Grandtante/- onkel 850 330 – 1467	Søskenbarn ±2 gen. 221 33 – 471	Tremening ±2 gen. 71 0 – 244	Firmenning ±2 gen. 36 0 – 166	Sjumenning 18 0 – 71	
Halv-tremening ±1 gen. 66 0 – 190	Halv-søskenbarn ±1 gen. 224 62 – 469	Halv-tante/- onkel 871 492 – 1315	Foreldre 3485 2376 – 3720		Tante / onkel 1741 1201 – 2282	Søskenbarn ±1 gen. 433 102 – 980	Tremening ±1 gen. 122 14 – 353	Firmenning ±1 gen. 48 0 – 192	Femmenning ±1 gen. 28 0 – 126	Sjumenning ±1 gen. 15 0 – 56	
Halv-firmenning 48 0 – 168	Halv-tremening 120 10 – 325	Halv-søskenbarn 449 156 – 979	Halvsøsken 1759 1160 – 2436	Søsken 2613 1613 – 3488	DEG	Søskenbarn 866 396 – 1397	Tremening 229 41 – 592	Firmenning 73 0 – 234	Femmenning 35 0 – 139	Seksmenning 25 0 – 117	Sjumenning ±2 gen. 13 0 – 45
Halv-firmenning ±1 gen. 37 0 – 139	Halv-tremening ±1 gen. 66 0 – 190	Halv-søskenbarn ±1 gen. 224 62 – 469	Halv-niese / nevo 871 492 – 1315	Niese / nevo 1740 1201 – 2282	Barn 3487 2376 – 3720	Søskenbarn ±1 gen. 433 102 – 980	Tremening ±1 gen. 122 14 – 353	Firmenning ±1 gen. 48 0 – 192	Femmenning ±1 gen. 28 0 – 126	Seksmenning ±1 gen. 21 0 – 80	Åttemenning 14 0 – 57
Halv-firmenning ±2 gen. 27 0 – 78	Halv-tremening ±2 gen. 48 0 – 144	Halv-søskenbarn ±2 gen. 125 16 – 269	Halv-grandniese / nevo 431 184 – 668	Grandniese / nevo 850 330 – 1467	Barnebarn 1754 984 – 2462	Søskenbarn ±2 gen. 221 33 – 471	Tremening ±2 gen. 71 0 – 244	Firmenning ±2 gen. 36 0 – 166	Femmenning ±2 gen. 22 0 – 93	Seksmenning ±2 gen. 18 0 – 65	Åttemenning ±1 gen. 12 0 – 50
Halv-firmenning ±3 gen.	Halv-tremening ±3 gen.	Halv-søskenbarn ±3 gen. 60 0 – 120	Halv-oldeniese / nevo 208 103 – 284	oldeniese / nevo 420 186 – 713	Oldebarn 887 485 – 1486	Søskenbarn ±3 gen. 117 25 – 238	Tremening ±3 gen. 51 0 – 154	Firmenning ±3 gen. 27 0 – 98	Femmenning ±3 gen. 19 0 – 60	Seksmenning ±3 gen. 13 0 – 30	Sjumenning 11 0 – 42

3 litt ulike resultater

Anita 64år har 3 matcher på 870 cM.
De 3 ulike kalkulatorene gir litt ulike forslag
Ingen er feil, alle er reelle mulige slektskap.

Tester Anita 64 år							
	cM	MyHeritage estimat	Sindy 64 år MyHeritage	Leonora 36 år MyHeritage	Lisa 83 år MyHeritage	SegcM 870 cM 30 segmenter	DNA-Painter 870 cM
Anita 64 år	870 30 segmenter	Søskenbarn	Søskenbarn	74% Halvnevø/-niese 17,6 % Søskenbarn 1% Grandnevø/-niese	56,7 % Søskenbarn 40 % Halvonkel/tante	45,5% Søskenbarn 25% grandtante/onkel(niese/ nevø 23% Halvtante/onkel(niese/nevø	92% Oldeforeldre/Grandtante/ Halvtante/søskenbarn/halvniese/oldebarn

DNA-painter. Shared cM Project Tool

Oppgi total cM verdi for ditt treff her:

870

nullstill

Eller tast %

Så vil alle passende slektskap stå frem nedenfor

Klikk her for en delbar lenke til cM verdi over

[Les mer om slektskap](#)

Nærmeste felles opphav

Antar ingen **anesammenfall** eller **endogami** og antatt at slektskapet er bare gitt ett slektsledd, det lengste bak i treet du må gå for et treff på 870cM er **tippoldeforeldre** eller generasjoner 5 på ditt anetre.

Forbindelsen kan være nærmere. Også, avhengig av din familie, dette treffet kan være en generasjon nærmere, som ett barn av en av dine søsken.

Slektskapssannsynligheter (basert på statistikk fra [The DNA Geek](#))

 **Klikk på hvilket slektskap som helst for å se histogramm**

Nytt: Se disse slektskapene i ett slektstre

97% Oldeforeldre Grandtante/ -onkel

Halv-tante/ -onkel Søsknebarn

Halv-niese / nevø Grandniese / nevø

Oldebarn

3% Oldetante/ -onkel † oldeniese / nevø †

Halv-grandtante/ -onkel †

Halv-grandniese / nevø † Halv-søskenbarn

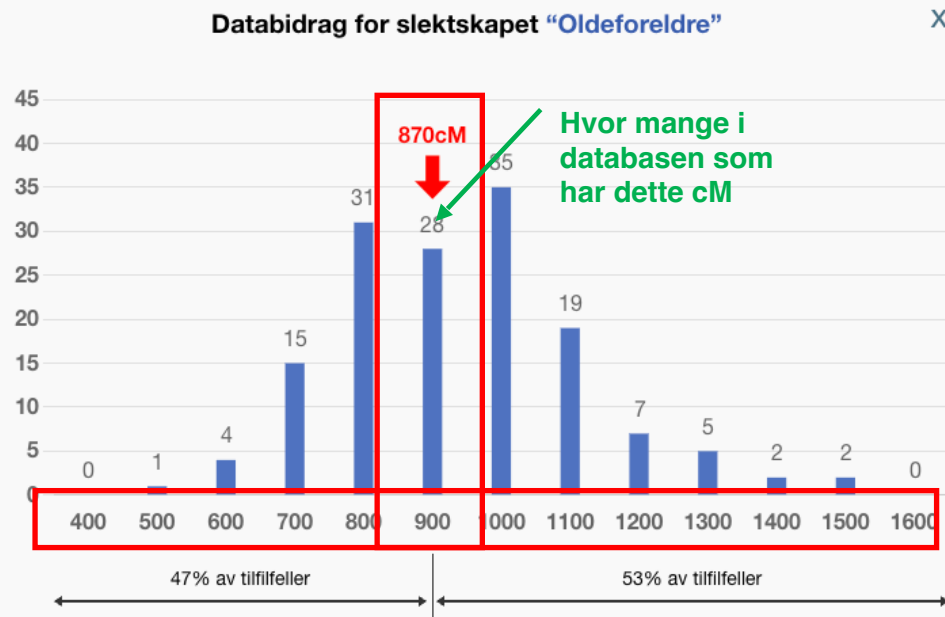
Søskenbarn ± 1 gen.

† dette slektskapet har sannsynlighet for 870cM i thednageeks sannsynlighetstabell ,
men er utenfor lovlige grenseverdier i delt cM prosjektet (99 prosentilen)

Les mer om slektskap										Tipp Tippoldeforeldre		4x grand tante/-onkel											
										Tippoldeforeldre		3x grand tante/-onkel											
Halv-oldetante/-onkel 208 103 – 284		Oldeforeldre 887 485 – 1486								Oldetante/-onkel 420 186 – 713		Søskenbarn ±3 gen. 117 25 – 238		Tremenning ±3 gen. 51 0 – 154		Andre slektskap							
Halv-søskenbarn ±2 gen. 125 16 – 269		Halv-grandtante/-onkel 431 184 – 668		Besteforeldre 1754 984 – 2462				Grandtante/-onkel 850 330 – 1467		Søskenbarn ±2 gen. 221 33 – 471		Tremenning ±2 gen. 71 0 – 244		Firmenning ±2 gen. 36 0 – 166		Sjumenning 18 0 – 71							
Halv-tremenning ±1 gen. 66 0 – 190		Halv-søskenbarn ±1 gen. 224 62 – 469		Halv-tante/-onkel 871 492 – 1315		Foreldre 3485 2376 – 3720		Tante / onkel 1741 1201 – 2282		Søskenbarn ±1 gen. 433 102 – 980		Tremenning ±1 gen. 122 14 – 353		Firmenning ±1 gen. 48 0 – 192		Femmenning ±1 gen. 28 0 – 126		Sjumenning ±1 gen. 15 0 – 56					
Halv-firmenning 48 0 – 168		Halv-tremenning 120 10 – 325		Halv-søskenbarn 449 156 – 979		Halvsøsken 1759 1160 – 2436		Søsken 2613 1613 – 3488		DEG		Søskenbarn 866 396 – 1397		Tremenning 229 41 – 592		Firmenning 73 0 – 234		Femmenning 35 0 – 139		Seksmenning 25 0 – 117		Sjumenning ±2 gen. 13 0 – 45	
Halv-firmenning ±1 gen. 37 0 – 139		Halv-tremenning ±1 gen. 66 0 – 190		Halv-søskenbarn ±1 gen. 224 62 – 469		Halv-niese / nevø 871 492 – 1315		Niese / nevø 1740 1201 – 2282		Barn 3487 2376 – 3720		Søskenbarn ±1 gen. 433 102 – 980		Tremenning ±1 gen. 122 14 – 353		Firmenning ±1 gen. 48 0 – 192		Femmenning ±1 gen. 28 0 – 126		Seksmenning ±1 gen. 21 0 – 80		Åttemenning 14 0 – 57	
Halv-firmenning ±2 gen. 27 0 – 78		Halv-tremenning ±2 gen. 48 0 – 144		Halv-søskenbarn ±2 gen. 125 16 – 269		Halv-grandniese / nevø 431 184 – 668		Grandniese / nevø 850 330 – 1467		Barnebarn 1754 984 – 2462		Søskenbarn ±2 gen. 221 33 – 471		Tremenning ±2 gen. 71 0 – 244		Firmenning ±2 gen. 36 0 – 166		Femmenning ±2 gen. 22 0 – 93		Seksmenning ±2 gen. 18 0 – 65		Åttemenning ±1 gen. 12 0 – 50	
Halv-firmenning ±3 gen.		Halv-tremenning ±3 gen.		Halv-søskenbarn ±3 gen. 60 0 – 120		Halv-oldeniese / nevø 208 103 – 284		oldeniese / nevø 420 186 – 713		Oldebarn 887 485 – 1486		Søskenbarn ±3 gen. 117 25 – 238		Tremenning ±3 gen. 51 0 – 154		Firmenning ±3 gen. 27 0 – 98		Femmenning ±3 gen. 19 0 – 60		Seksmenning ±3 gen. 13 0 – 30		Sjumenning 11 0 – 42	

Lær å lese grafen

Antall cM som de i databasen har:



Mengden du oppgav var 870cM

De røde pilene viser hvordan dette korresponderer med andre bidrag "Oldeforeldre" ved å indikere hvilket utvalg den havner i.

Prosentene under grafen gir fordelingen over / under valgt utvalg 870cM.

(Dette er cirka prosenter fordi antagelsen er at distribusjonen er jevnt fordelt innefor utvalget vist med pila)

Hvordan lese dette histogrammet

Nnummeret over hver søyle viser antall bidrag for "Oldeforeldre" slektskap som faller innen gitt utvalg

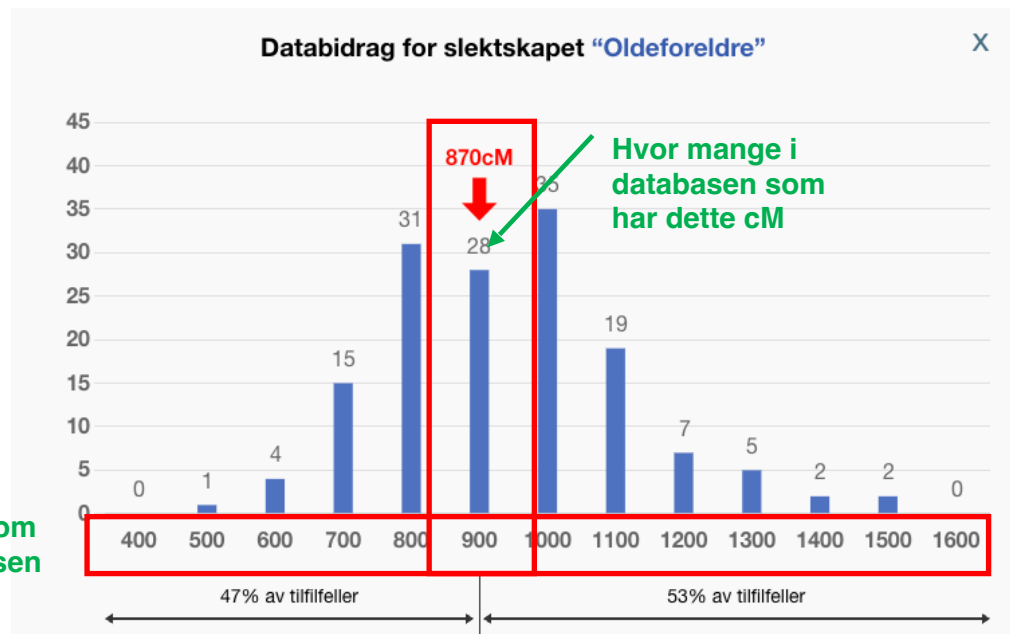
Nnummeret under hver søyle er den HØYESTE verdien i det utvalget. Slik at om utvalgs størrelsen er 100, vil "500" bety at verdiene denne dekker er alt fra 401 tom 500 cM

Totalt var det 149 databidrag for "Oldeforeldre" slektskapet med en snitt på 887cM og et standard avvik på 181cM.

- ✓ Totalt er det 149 bidrag i denne databasen som har registrert og bekreftet oldeforeldre
- ✓ Av disse 149 er det 28 bidrag som har mellom 800 og 900 cM med sine oldeforeldre
- ✓ Det øverste tallet oppå søylene er antall bidrag som er i denne gruppen
- ✓ Tallene under søylene viser antall cM i hver søyle

Lær å lese grafen

Antall cM som de i databasen har:



Mengden du oppgav var 870cM

De røde pilene viser hvordan dette korresponderer med andre bidrag "Oldeforeldre" ved å indikere hvilket utvalg den havner i.

Prosentene under grafen gir fordelingen over / under valgt utvalg 870cM.

(Dette er cirka prosenter fordi antagelsen er at distribusjonen er jevnt fordelt innefor utvalget vist med pila)

Hvordan lese dette histogrammet

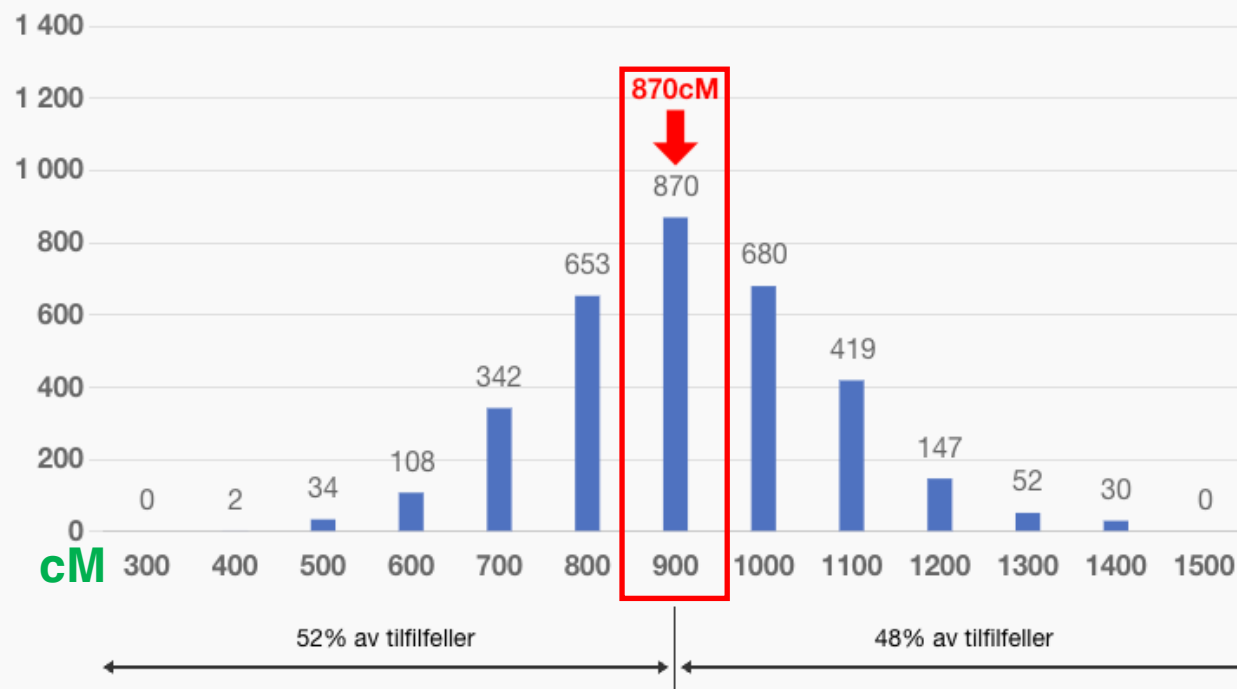
Nummeret over hver søyle viser antall bidrag for "Oldeforeldre" slektskap som faller innen gitt utvalg

Nummeret under hver søyle er den HØYESTE verdien i det utvalget. Slik at om utvalgs størrelsen er 100, vil "500" bety at verdiene denne dekker er alt fra 401 tom 500 cM

Totalt var det 149 databidrag for "Oldeforeldre" slektskapet med en snitt på 887cM og et standard avvik på 181cM.

Databidrag for slektskapet "Søskenbarn"

X



Mengden du oppgav var 870cM

De røde pilene viser hvordan dette korresponderer med andre bidrag "Søskenbarn" ved å indikere hvilket utvalg den havner i.

Prosentene under grafen gir fordelingen over / under valgt utvalg 870cM.

(Dette er cirka prosenter fordi antagelsen er at distribusjonen er jevnt fordelt innefor utvalget vist med pila)

Hvordan lese dette histogrammet

Nummeret over hver søyle viser antall bidrag for "Søskenbarn" slektskap som faller innen gitt utvalg

Nummeret under hver søyle er den HØYESTE verdien i det utvalget. Slik at om utvalgs størrelsen er 100, vil "500" bety at verdiene denne dekker er alt fra 401 tom 500 cM

Totalt var det 3337 databidrag for "Søskenbarn" slektskapet med en snitt på 866cM og et standard avvik på 161cM.

Leeds metode

Gruppering av matcher

Hva er Leeds metode?

Det er en enkel måte å gruppere matchene dine på de 4 besteforeldrene.

Du skal plukke de fra 90 – 400 CM (3-5.menninger), og plassere dem i de 4 ulike besteforeldregruppene

Leeds er i prinsippet det samme som autoclusterrapporten

Fungerer dårlig ved mye endogami og/eller anesammenfall Uavhengig av testfirma

Kan gjøres på papir eller i regneark

Hva kan Leeds-metoden brukes til?

- Skille mellom mors- og farslinjer
- Avdekke ukjente grener i slektstreet
- Fokuserer på én gruppe når du leter etter en ukjent bestefar eller far

Tips til nybegynnere:

- Ikke alle matcher passer perfekt inn – det er normalt.
- Ikke bruk for fjerne matcher (under 50 cM gir støy).
- Du trenger ikke vite slektskapet på forhånd – metoden hjelper deg finne mønstre.

Leeds

- Start med MyHeritage:
 - Og finn første match under 400 cM og ikke mindre enn 90 cM

The screenshot shows the MyHeritage DNA match interface. At the top, the user's name "Heidi Sitara Fjeldvig, dette er deg" is displayed. Below the navigation bar, the "DNA-treff" tab is selected. The main area shows a list of DNA matches, with the first match for "Helene" highlighted. The match details include the relationship "Forelders søskenbarn", the DNA match quality "4,3% (307,3 cM)", and the shared segment "13". The interface also includes buttons for "Select all matches", "Download CSV", and "Undersøk DNA-treff".

Heidi Sitara Fjeldvig, dette er deg

Oversikt Estimat på etnisitet **DNA-treff** Forhistorisk opprinnelse DNA verktøy

Viser 1–49 av 49 DNA Matches funnet

Select all matches Download CSV 1 page(s) Filter Sorter etter

Tre-detalljer Storfamilie Steder Merkelapper Slett filtre

Helene

Sannsynlig slektskapsforhold
Forelders søskenbarn

Delt DNA: **4,3% (307,3 cM)**
Delte segment: 13
Største segment: 49,2 cM

Bestemors kusine
Alder: 90 eller eldre
DNA administrert av Robert

Kontakt Robert Helge

Finnes i et slektstre med 1 129 personer, administrert av

Forfedres etternavn felles mellom deg og Helene Haaseth (Holmé) inkludert Haaseth; Iversdatter; Eriksdatter og 13 til.

Steder blant aner felles for deg og Helene Haaseth (Holmé) inkluderer Norge.

Undersøk DNA-treff

Vis tre

Legg inn i et regneark

- Gå til regnearket:
 - Legg inn "Helene"/Person 01 og alle matchene som er mellom 400 og 90 cM i et regneark til det ikke er flere på listen din i MyHeritage:

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90				
Person 02	92,5				
Person 03	93,4				
Person 04	100,2				
Person 05	100,8				
Person 06	245				
Person 07	236				
Person 08	200				
Person 09	199				
Person 10	358				
Person 11	187				
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 15	106				
Person 16	92				
Person 17	95				
Person 18	98				
Person 19	349				

Fargelegge matchene

- Nå skal du velge øverste match, her er det "Helene" i regnearket og merke cellen i "Ane 1"-kolonnen med en farge og skrive inn "Match".
- Slik:

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90	Match			
Person 02	92,5				
Person 03	93,4				
Person 04	100,2				
Person 05	100,8				
Person 06	245				
Person 07	236				
Person 08	200				
Person 09	199				
Person 10	358				
Person 11	187				
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 15	106				
Person 16	92				
Person 17	95				
Person 18	98				
Person 19	349				

- Gå til MyHeritage, finn "Helene" og velg "Undersøke DNA-treff"
- Sjekk alle matcher ml 90 – 400 cM og merk dem med blå farge i regnearket:

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90	Match			
Person 02	92,5				
Person 03	93,4				
Person 04	100,2				
Person 05	100,8				
Person 06	245				
Person 07	236				
Person 08	200				
Person 09	199				
Person 10	358				
Person 11	187				
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 15	106				
Person 16	92				
Person 17	95				
Person 18	98				
Person 19	349				

- Finn første navn i regnearket som IKKE har farge, Person 02, og merk cellen i Ane 2-kolonnen med en ny farge, slik:

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90	Match			
Person 02	92,5		Match		
Person 03	93,4				
Person 04	100,2				
Person 05	100,8				
Person 06	245				
Person 07	236				
Person 08	200				
Person 09	199				
Person 10	358				
Person 11	187				
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 15	106				
Person 16	92				
Person 17	95				
Person 18	98				
Person 19	349				

- Så gjør du akkurat det samme som med Helene:
 - Gå til MyHeritage, velg "Undersøk DNA-treff" for å finne felles matcher med Person 02
 - Fargelegg alle celler i Ane2-kolonnen som er felles matcher mellom deg og Person 02

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90	Match			
Person 02	92,5		Match		
Person 03	93,4				
Person 04	100,2				
Person 05	100,8				
Person 06	245				
Person 07	236				
Person 08	200				
Person 09	199				
Person 10	358				
Person 11	187				
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 15	106				
Person 16	92				
Person 17	95				
Person 18	98				
Person 19	349				

- Når det ikke r flere igjen mellom 90 og 400 cM går du til nr 3 og fortsetter slik til alle matchene har fått en eller flere farger:

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90	Match			
Person 02	92,5		Match		
Person 03	93,4			Match	
Person 04	100,2				
Person 05	100,8				
Person 06	245				
Person 07	236				
Person 08	200				
Person 09	199				
Person 10	358				Match
Person 11	187				
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 15	106				
Person 16	92				
Person 17	95				
Person 18	98				
Person 19	349				

Sortere matchene

- Nå skal du sortere matchene etter farge:

Legg til nivåer sortert etter: ☒ Min liste har overskrifter

	Kolonne	Sorter etter	Rekkefølge	Farge/ikon
Sorter etter	Ane 1	Cellefarge	Øverst	Tu...
Deretter etter	Ane 2	Cellefarge	Øverst	Rød
Deretter etter	Ane 3	Cellefarge	Øverst	Gul
Deretter etter	Ane 4	Cellefarge	Øverst	Gr...

+ - Kopier

Alternativer... Avbryt OK

Jeg har laget en Youtube video som viser hvordan du gjør dette med Google regneark

Slutresultat

MATCH NAVN	CM	Ane 1	Ane 2	Ane 3	Ane 4
Helene	90	Match			
Person 04	100,2				
Person 06	245				
Person 09	199				
Person 11	187				
Person 02	92,5		Match		
Person 05	100,8				
Person 07	236				
Person 16	92				
Person 03	93,4			Match	
Person 08	200				
Person 15	106				
Person 18	98				
Person 19	349				
Person 10	358				Match
Person 12	344				
Person 13	170				
Person 14	104				
Person 17	95				

Mine matcher - før og etter sortering

Match	Estimert slektskap	cM	Mormor	Farfar	Morfar	Farmor
Helene H.	Foreldres søskenbarn	307,3	Match			
Mia	Søskenbarns datter	250,5		Match		
Andreas H.	Foreldres søskenbarn	235,4				
Kristine	Tremenning	229,4				
Helene C.	Søskenbarns/tremenning	225				
Beate E.	Tremenning	210,7			Match	
Berit	Tremenning	204,3				Match
Ivar	Tremenning	204,3				
Terje	Tremenning	196,9				
Anders	Tremenning	191,5				
Terje	Tremenning	175,6				
Robert	Tremenning	170,7				
Russel	Tremennings sønn	169,8				
Geir	Tremenning	165,5				
Robert	Tremennings sønn	164,4				
Ingrid	Tremennings datter/Firm	151,3				
Kjeld	Tremennings sønn	147,9				
Maria	Tremennings datter	134,3				
Ann Hynne	Tremennings datter/Firm	119,1				
Solveig	Foreldres tremenning/firm	118				
Kristin	Firmenning	107,5				
Harald	Tremennings sønn/firme	106,2				
Robert G	Firmenning	105,8				
Anders L.	Tremennings sønn	100,6				
Solfrid	Firmenning	98,6				
Jonas	Tremennings sønn/firme	92,6				
Sondre	Tremennings sønn/firme	92,1				
Orwin	Firmenning	91,3				

Match	Estimert slektskap	cM	Mormor	Farfar	Morfar	Farmor
Solveig	Foreldres tremenning/firm	118				
Helene C.	Søskenbarns/tremenning	225				
Helene H.	Foreldres søskenbarn	307,3	Match			
Andreas H.	Foreldres søskenbarn	235,4				
Kristine	Tremenning	229,4				
Robert	Tremenning	170,7				
Russel	Tremennings sønn	169,8				
Maria	Tremennings datter	134,3				
Solfrid	Firmenning	98,6				
Kristin	Firmenning	107,5				
Jonas	Tremennings sønn/firme	92,6				
Terje	Tremenning	175,6				
Mia	Søskenbarns datter	250,5		Match		
Kjeld	Tremennings sønn	147,9				
Harald	Tremennings sønn/firme	106,2				
Anders	Tremenning	191,5				
Robert	Tremennings sønn	164,4				
Sondre	Tremennings sønn/firme	92,1				
Beate E.	Tremenning	210,7				
Geir	Tremenning	165,5				
Berit	Tremenning	204,3				
Ivar	Tremenning	204,3				
Terje	Tremenning	196,9				
Ingrid	Tremennings datter/Firm	151,3				
Ann Hynne	Tremennings datter/Firm	119,1				
Robert G	Firmenning	105,8				
Anders L.	Tremennings sønn	100,6				
Orwin	Firmenning	91,3				

Leeds metode - begrensninger

- Matcher som er 3- opp til 4-menninger. Ikke gå lengre bak enn 5-menninger!
 - Ikke bruk søsken
 - Ikke bruk søskenbarn
 - Kun de som kan tildeles EN besteforelder (oldeforeldrepar)
- Deler matchene opp i 4 besteforeldre
- Fordi om du overlapper, kan det bety at dere har felles ane
- Fungerer ikke godt med anesammenfall og/eller endogami, ikke gå lengre bak enn 4-menninger!
- Du kan gjøre dette for alle testselskapene
- Egner seg spesielt for adopterte, ukjent far/bestefar, donorbarn

Video av Leeds metode

- Kanalen min heter DNA-detektiven
- Du kan søke på "Lage regneark Leeds kurs 2025"
 - <https://youtu.be/27SdznxwX48>
- Husk å like kanalen og klikk på "Abonner", så kan du få beskjed når det kommer nye videoer

Undersøke familietreet ditt

Sjekke anesammenfall og endogami



Første steg – opprette en GedComfil

- Alle slektsprogrammer har mulighet for å eksportere en GedCom fil
- GedCom er et felles format som brukes til å utveksle data mellom slektsprogrammer
- Eksportere fra MyHeritage:
 - Slektsstre -> Administrere slektstrær

2		Fjeldvig_9_1_2022	FTB	Engelsk	7,214	28 sep 2025 04:15	- Vis - Rediger slektsstre innstillinger - Last ned til Family Tree Builder - Eksporter til GEDCOM - Slett
---	---	-------------------	-----	---------	-------	-------------------	--

- Vis

- Laste opp GedCom fil, den bli slettet etter import
- Importere GedCom
- Ulike muligheter
- <https://learnforeverlearn.com/ancestors/>

Are Your parents related?

GedMatch

GEDmatch

- ✓ På GedMatch kan du laste opp DNA-resultater fra FTDNA og Ancestry
- ✓ GEDmatch er et analyseverktøy for amatører og profesjonelle som har DNA-testet seg
- ✓ Gjelder BARE autosomalt DNA-tester
- ✓ Det er gratis å bruke, men de som bidrar får tilgang til noen ekstraverktøy



GedMatch

- ✓ Du må registrere deg for å få tilgang (brukernavn og passord)
- ✓ Du kan laste opp flere tester (hvis du administrerer for andre)
- ✓ Det finnes en GEDmatch Wiki, FAQ, og gode forklaringer (for dummes)
- ✓ Du kan også laste opp en eller flere GEDCOM (én for hvert testkit)



Hvorfor bruke GEDmatch?

- Identifisere slektninger som ikke har testet på samme firma som du selv
- Noen testfirma (ancestry.com) opplyser ikke hvor mye DNA som matcher, det kan du gjøre på GEDmatch
- Slippe å bruke meldingstjenesten på 23andMe og ancestry.com
- Det kan være matcher som ikke kommer frem på det firmaet du har testet på, kanskje fordi de bruker andre algoritmer eller andre begrensninger. De kan du sammenlikne på GEDmatch
- Det finnes noen “fun tools”, som ikke leveres av de øvrige selskapene

Muligheter på GEDMatch

- Laste opp GEDCOM-fil og sammenlikne med andre
- Laste opp DNA fra flere test-kit (hvis du har mange personer du har testet)
- Sammenlikne:
 - Autosomalt: Én mot én ELLER én mot mange
 - X Én mot én
 - Populasjons analyser (avansert, forekomst av populasjonsgrupper i test-kitets DNA))
 - Phasing (sammenlikne ditt DNA med dine matcher, deretter sammenlikne dine matchers DNA med dine foreldres DNA, for å fortelle deg hvilken av foreldrene du har matchen fra.)
 - Folk som matcher et eller begge av to kit (f. eks begge foreldrene dine, eller deg og din partner)
 - Anslå øyenfarge (fun fact)
 - Er foreldrene dine i slekt?
 - 3D kromosom browser
 - Slektskap med gammelt ([Archaic DNA](#))
 - Sammenlikne flere kit
 - DNA Fildiagnostiseringsverktøy

[STATUS LEGEND](#) >

Your DNA Resources

Click on kit number to go directly to one-to-many results

Kit Number	Status	Kit Name	Notes	Kit Privacy	Manage
DU3359908	✓	Heidi Sitara Fjeldvig	Add		Manage
SM9096639	✓	Kari Haugness	Add		Manage
WR9311545	✓	Kjeld	Add		Manage

You have not uploaded any GEDCOM (family tree) resources.

[Click here to upload a GEDCOM.](#)

[Support Request](#)

[GEDmatch Wiki](#)



Upload Your DNA

Generic Uploads (23andme, FTDNA, AncestryDNA, most others)



Free Tools

[One-To-Many - Limited Version](#)

[One-To-Many - Original Version](#)

[Relationship Probability](#)

[One-to-One Autosomal DNA Comparison](#)

[One-to-One X-DNA Comparison](#)

[Admixture \(heritage\)](#)

[Admixture / Oracle with Population Search](#)

[People who match both, or 1 of 2 kits](#)

[Kit Diagnostic Utility](#)
Analyze DNA file upload for potential problems.

[Are your parents related?](#)

[3-D Chromosome Browser](#)

Upgrade Your Membership

Join Tier 1 and gain access to more advanced tools to help you go deeper in your genealogical research!

Here are the top tools Tier 1 members find most valuable:

- **Matching Segment Search:** This tool sorts through your 3000 or so closest DNA matches on the site and lines them up in order, based on where they match on each chromosome. You then can visually see which DNA matches match you on which chromosomes. Save HOURS of time over doing this manually!
- **Multiple Kit Analysis:** If you want to easily compare multiple kits you have uploaded or your matches in the One-to-Many tool, then Multiple Kit Analysis is for you! You can select up to 100+ kits for visual comparison using the cross-kit visual analysis tools.
- **Triangulation:** Triangulation compares your top 500 One-to-many matches with each other and generates a report containing details of all those who match you and each other on the

Are Your Parents Related?



[Home](#) [Upload DNA](#) [Free Tools ▾](#) [GEDmatch Forums](#) [Family Trees ▾](#) [Genealogy Comparisons / Searches ▾](#) 



Are Your Parents Related?

Since you inherit half of your DNA from each of your parents, it stands to reason that large blocks of SNPs where both alleles are the same would be an indication that your parents each inherited that block from the same ancestor. These are called 'Runs of Homozygosity' (ROH). There are other utilities available that look for ROH for other purposes, but this analysis is specifically aimed at determining how closely related your parents might be.

Enter your kit number below, and click on 'Submit'.

DU3359908



DU3359908 - *Heidi

SM9096639 - *Kari Haugness

WR9311545 - *Kjeld

or select from my

SUBMIT



Are Your Parents Related?

GEDmatch - Are your parents related?

Software Version Sep 3 2025 07:48;14

Base Pairs with Full Match =	
Base Pairs with No Match =	
Base Pairs not included in comparison =	
Matching segments greater than 7 centiMorgans =	

Evaluating Kit DU3359908 (*Heidi) for related parents.

Minimum segment threshold size is set dynamically

Minimum threshold size to be included in total = 200 SNPs

Minimum segment cM to be included in total = 7.0 cM

[Here](#) is a link to a useful YouTube video on using the Are Your Parents Related tool.

Chr 1



Chr 2



Chr 3



Chr 4



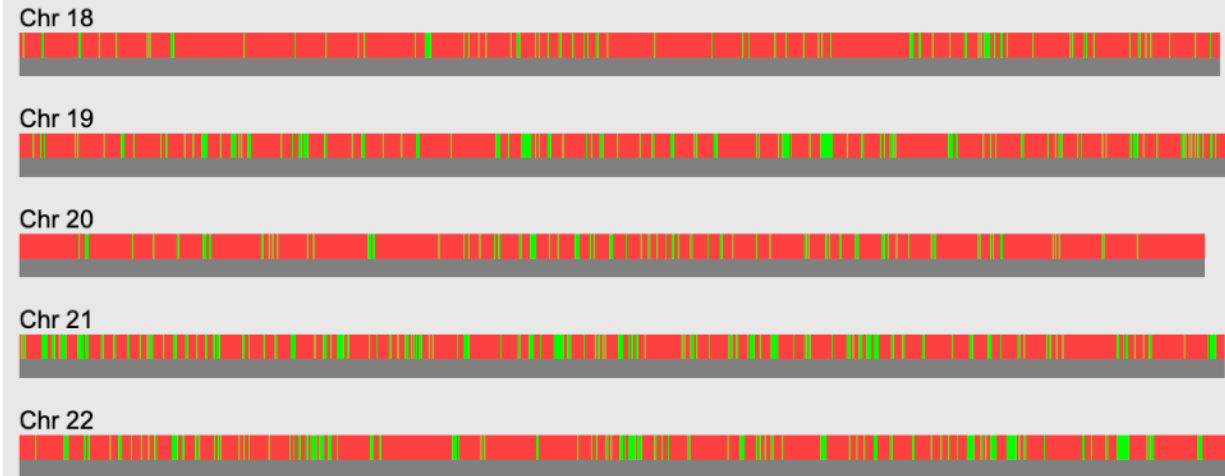
Chr 5



Chr 6



Are Your Parents Related?



Largest segment = 0 cM

Total of segments > 7 cM = 0 cM

No shared DNA segments found

This analysis indicates that your parents are probably not related within recent generations.

Kitty Cooper has a blog article on this program: [When the DNA says your parents are related](#)

Comparison took 0.24546 seconds.

Report generated on Mon Oct 6 11:20:54

Ver: Sep 3 2025 07:48;14

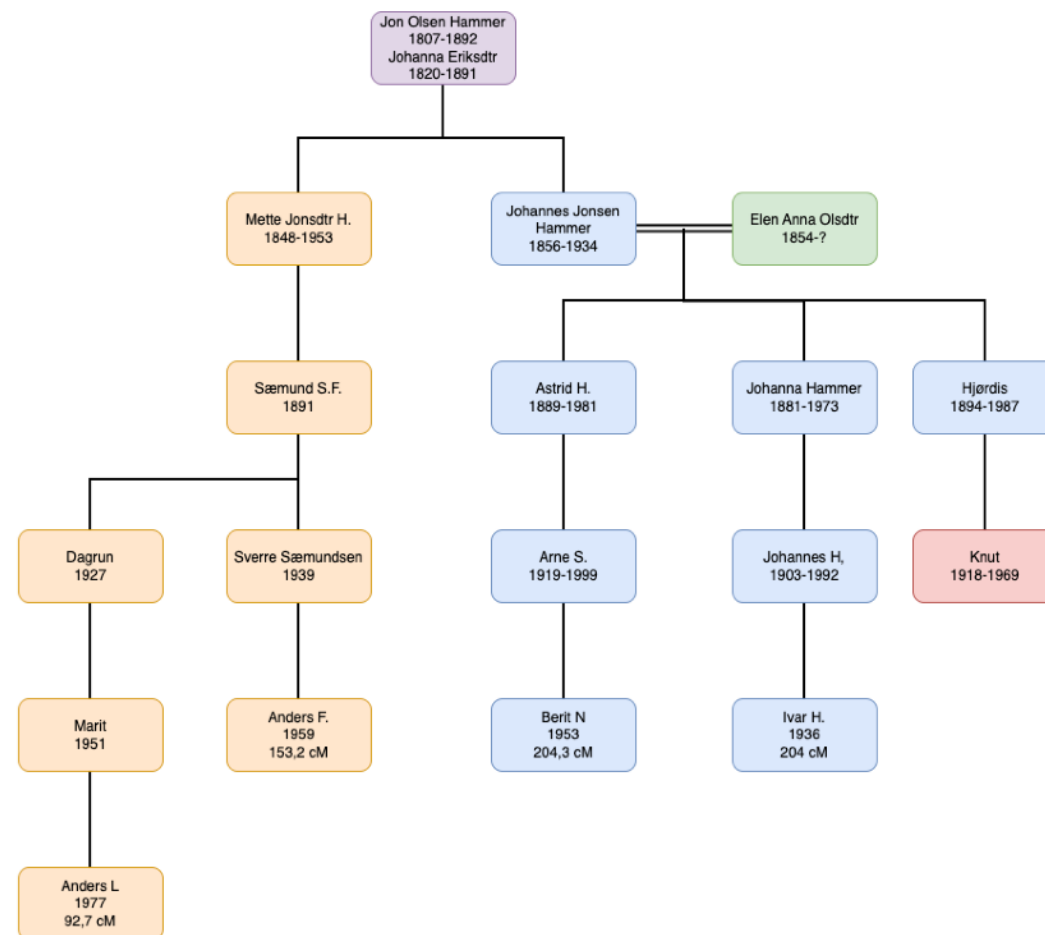


WATO / WATO+

Finne ukjent far, mor, besteforeldre

DNA-painter WATO / WATO+

- Hjelpemiddel til finne ukjente foreldre/ besteforeldre
- Du legger inn et slektstre av de matchene du greier å finne koblingen mellom
- Du kan legge inn et slektstre manuelt eller importere GedCom
- Vær nøye med å finne "alle" slektninger i den kretsen du leter!
- Vær nøye med kjønn og årstall
- Være nøye med antall cM



YOU HAVE A FREE ACCOUNT · INFO ON SUBSCRIBING
→ SIGN UP FOR THE MONTHLY TIPS EMAIL
HELP: WHERE TO START

Search the site Go



- QUICK LINKS
- Shared cM Tool
 - Shared cM Tool with second amount
 - WATO
 - WATO *plus*
 - Coverage
 - Cluster Auto Painter
 - LOM
 - cM Estimator
 - Inferred Segments Generator
 - View all

SAVED

WATO *plus* WATO Coverage Matrix **NEW**

What are the Odds? *plus*

WATO is a popular tool that uses probabilities to investigate how someone might fit into a known family tree based on the amounts of DNA they share with people within that tree.

WATO *plus* is a new version of WATO that lets you specify precisely whose parent you are trying to identify and what the DNA tester's relationship is with this person. The tool can now make use of additional data and refine results based on age.

Tree	Created	Updated
Click the 'X' on the right to delete a tree		
Create a new WATO <i>plus</i> tree WATO <i>plus</i> User Guide		

Recent blog post: [Introducing WATO *plus*, a new tool for investigating family mysteries](#)

WATO+

What Are the Odds? *plus* BETA [User Guide](#)

WATO *plus* lets you use DNA matches to help figure out where you might fit into their tree

[read more](#)

I would like to identify the biological **Father** of Heidi

Heidi was born in the year 1956

I am using the DNA Matches of This person (Heidi)

▼ Optional info

Heidi's biological mother was born in the year 1930

The matches are from a mix of testing companies

Title for this tree. Heidis far

SAVE

WATO / WATO+

DNA-painter.com